

**Interfaccia dati  
Rindvieh-Schweiz**

**versione: 4.15**

**valida dal: 02.08.2018**

**Segretariato interfaccia dati bovini  
Qualitas SA  
Chamerstrasse 56  
6300 Zugo  
TEL 041 / 729 33 11  
FAX 041 / 729 33 77  
email: info@qualitasag.ch**

**Indice****Descrizione della struttura**

	<b>tipo serie:</b>	<b>descrizione</b>
<b>tabella codici</b>	<b>C01</b>	riferimento alle note a piè di pagina
<b>dati azienda</b>	<b>B01</b>	dati di base dell'azienda
	<b>B04</b>	dati delle chiusure annuali aziendali (01.07. - 30.06.)
	<b>B10</b>	valori genetici medi per azienda di un anno di controllo
	<b>B11</b>	dati dei conti annuali (01.07. - 30.06.) delle inseminazioni e monte
<b>dati animali</b>	<b>Y01</b>	dati di base degli animali
	<b>Y02</b>	ascendenza degli animali
	<b>Y13</b>	dati della valutazione dell'ascendenza degli animali
	<b>Y16</b>	dati dei marcatori genetici degli animali
	<b>Y20</b>	dati sanitari degli animali del programma veterinario
	<b>Y21</b>	storia delle ubicazioni degli animali
	<b>Y22</b>	informazioni sulle tipizzazioni SNP
	<b>Y23</b>	parte di razza
<b>dati vacche</b>	<b>K03</b>	risultati delle singole pesature del latte delle vacche
	<b>K04</b>	dati della lattazione standard compresa la chiusura parziale
	<b>K44</b>	dati della produttività media, analogo K04 senza denominazione del tipo di serie
	<b>K45</b>	dati della carriera produttiva, analogo K04 senza denominazione del tipo di serie
	<b>K05</b>	dati della valutazione cantonale della vacche
	<b>K07</b>	dati della descrizione lineare delle vacche
	<b>K08</b>	dati esami d'attitudine alla mungitura delle vacche
	<b>K09</b>	valori genetici delle vacche
	<b>K10</b>	dati d'inseminazione / coperture delle vacche
	<b>K11</b>	dati sui parti delle vacche
<b>dati tori</b>	<b>S05</b>	dati della valutazione cantonale dei tori
	<b>S07</b>	risultati delle valutazioni della discendenza dei tori
	<b>S08</b>	risultati di prova in progenie mungibilità dei tori
	<b>S10</b>	risultati di prova in progenie latte, numero cellule, durata d'utilizzo e indice totale economico
	<b>S11</b>	risultati di prova in progenie fertilità dei tori
	<b>S12</b>	risultati di prova in progenie decorso del parto dei tori
	<b>S17</b>	risultati di prova in progenie produttività carnea
<b>allegato</b>		

**Struttura dell'interfaccia dati Rindvieh-Schweiz**

lunghezza campo: la cifra prima del punto descrive la lunghezza totale del campo, dopo il punto il numero di decimali. I punti decimali sono scritti e sono considerati nella lunghezza del campo.

tipo campo: T: testo; allineato a sinistra.  
 esempio: 'A57'  
 I: intero (cifre intere) senza segni; allineato a destra.  
 esempio: '\_\_12' (\_ = in bianco)  
 VI: intero con segni; allineato a destra.  
 esempio: '\_\_+12'  
 R: numero decimale (con punto decimale) senza segni; allineato a destra.  
 esempio: '\_\_12.34'  
 VR: numero decimale con segni; allineato a destra.  
 esempio: '\_\_+12.34'

i campi della data sono definiti come: AAAAMMGG

i campi dell'ora sono definiti come: HH:MM

valori mancanti sono lasciati "in bianco".

Il formato della denominazione del file per i singoli tipi di serie sono:

**X|4|4|4|4|3|3|3|.Y|0|0**

X: definizione della federazione di razza con F, B, H (pezzata, bruna e  
 4: numero del consorzio d'allevamento, 4 cifre  
 3: numero aziendale, 3 cifre  
 Y: tipo di serie con numero della serie; sono utilizzate le seguenti abbreviazioni: K = vacche, S = toro, J = animali giovani, B = azienda e R = razza.

Struttura generale della descrizione dei dati

descrizione campo	lunghezza campo	posizione del campo	tipo campo	fornitura dati a) possibile tramite:
				B: federazione Bruna
				F: swissherdbook
				H: federazione Holstein
				TVD: BDTA
				KB: OIA

a) Ö dati pubblici  
 E richiesta approvazione scritta del gerente aziendale  
 - campo dati vuoto

0

1	<b>tipo serie C01</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>		<b>KB</b>		
2	separatore	1.0	4	4-4								
3	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	6	5-6	I						Ö	Ö
4	separatore	1.0	7	7-7								
5	riferimento	4.0	11	8-11	I							
6	separatore	1.0	12	12-12								
7	codice	8.0	20	13-20	I/T							
8	separatore	1.0	21	21-21								
9	testo	50.0	71	22-71	T							
	totale 71											

il tipo di serie C01 contiene la descrizione del codice utilizzato

questo tipo di serie è munito aggiuntivamente di un separatore per stampare il file con EXCEL

						0			
1	<b>tipo serie B01</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E		
3	identificazione aziendale <sup>2</sup>	10.0	15	6-15	I	E	E		
4	identificazione aziendale secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö		
5	prefisso	30.0	52	23-52	T	Ö	E		
6	codice lingua <sup>3</sup>	2.0	54	53-54	T	E	E		
7	codice appellativo <sup>31</sup>	2.0	56	55-56	T	E	E		
8	cognome	22.0	78	57-78	T	E	E		
9	nome <sup>30</sup>	22.0	100	79-100	T	-	E		
10	nome azienda	22.0	122	101-122	T	E	-		
11	via, numero	22.0	144	123-144	T	E	E		
12	codice avviamento postale	5.0	149	145-149	I	E	E		
13	luogo	30.0	179	150-179	T	E	E		
14	cantone <sup>4</sup>	2.0	181	180-181	T	E	E		
15	paese <sup>5</sup>	3.0	184	182-184	T	E	E		
16	zona catasto <sup>6</sup>	1.0	185	185-185	I	E	E		
17	altitudine [x 100]	2.0	187	186-187	I	E	E		
18	regione <sup>29</sup>	2.0	189	188-189	I	E	E		
19	numero comune	4.0	193	190-193		-	-		
20	telefono	15.0	208	194-208	I	E	E		
21	tipo ubicazione <sup>75</sup>	4.0	212	209-212	I				
22	stato azienda di testaggio	1.0	213	213-213	I				
23	data inizio azienda di testaggio	8.0	221	214-221	I				
	totale 221								

il tipo di serie B01 contiene i dati di base dell'azienda

						0		
1	<b>tipo serie B04<sup>39</sup></b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup>	10.0	15	6-15	I	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	
5	anno di controllo <sup>7</sup>	4.0	26	23-26	I	E	E	
6	numero vacche con chiusura nell'anno di controllo	3.0	29	27-29	I	E	E	
7	Ø età al parto <sup>8</sup> [anni.mesi]	5.2	34	30-34	R	E	E	
8	Ø latte [kg]	5.0	39	35-39	I	E	E	
9	Ø grasso [kg]	3.0	42	40-42	I	E	E	
10	Ø grasso [%]	4.2	46	43-46	R	E	E	
11	Ø proteine [kg]	3.0	49	47-49	I	E	E	
12	Ø proteine [%]	4.2	53	50-53	R	E	E	
13	Ø lattosio [kg]	3.0	56	54-56	I	E	-	
14	Ø n. cellule [x 1000/ml]	4.0	60	57-60	I	E	E	
15	Ø urea nel latte [mg/dl]	3.0	63	61-63	I	-	-	
16	Ø persistenza di lattazione [%]	3.0	66	64-66	I	E	E	
17	Ø intervallo parto - ultima inseminazione [giorni]	3.0	69	67-69	I	E	-	
18	Ø intervallo tra i parti [giorni]	3.0	72	70-72	I	-	E	
19	Ø punti indice, risp. Punti produttività	3.0	75	73-75	I	E	E	
20	Ø numero giorni a latte	3.0	78	76-78	I	E	E	
	totale 78							

il tipo di serie B04 contiene i dati delle chiusure annuali aziendali (01.07. - 30.06.)

						0		
1	<b>tipo serie B10</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E		
3	identificazione azienda <sup>2</sup>	10.0	15	6-15	I	E		
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E		
5	anno di controllo <sup>7</sup>	4.0	26	23-26	I	E		
6	numero vacche con chiusura nell'anno di controllo <sup>39</sup>	3.0	29	27-29	I	E		
7	base valori genetici <sup>38</sup>	6.0	35	30-35	T	E		
8	Ø indice di sicurezza valore genetico latte [%] <sup>40</sup>	2.0	37	36-37	I	E		
9	Ø valore genetico latte <sup>40</sup>	5.0	42	38-42	VI	E		
10	Ø valore genetico grasso kg <sup>40</sup>	4.0	46	43-46	VI	E		
11	Ø valore genetico grasso % <sup>40</sup>	5.2	51	47-51	VR	E		
12	Ø valore genetico proteine kg <sup>40</sup>	4.0	55	52-55	VI	E		
13	Ø valore genetico proteine % <sup>40</sup>	5.2	60	56-60	VR	E		
14	Ø indice di sicurezza valore genetico n. cellule [%]	2.0	62	61-62	I	E		
15	Ø indice valore genetico n. cellule	4.0	66	63-66	I	E		
16	Ø ITE	3.0	69	67-69	I	E		
17	Ø valore latte	4.0	73	70-73	I	E		
18	Ø VG persistenza	3.0	76	74-76	I	E		
19	indice di sicurezza VG persistenza	2.0	78	77-78	I	E		
totale 78								

il tipo di serie B10 contiene i valori genetici medi per azienda in un anno di controllo

						0		
1	<b>tipo serie B11</b>	3.0	3	1-3	T	<b>KB</b>		
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I			
3	identificazione azienda <sup>2</sup>	10.0	15	6-15	I			
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I			
5	anno di controllo <sup>7</sup>	4.0	26	23-26	I			
6	tutti <sup>9</sup> / solo manze / solo vacche	1.0	27	27-27	I			
7	intervallo parto - 1. inseminazione registrata [giorni]	3.0	30	28-30	I			
8	intervallo parto - ultima inseminazione registrata [giorni]	3.0	33	31-33	I			
9	rata di non ritorno 75	2.0	35	34-35	I			
10	indice d'inseminazione	3.1	38	36-38	R			
11	indice N3 <sup>27</sup>	4.0	42	39-42	I			
totale 42								

il tipo di serie B11 contiene i dati dei conti annuali (01.06. - 31.05.)

0

1	<b>tipo serie Y01</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E	
8	data nascita	8.0	59	52-59	I	E	E	E	
9	identificazione padre <sup>10</sup>	14.0	73	60-73	T	E	E	E	
10	codice di razza padre <sup>55</sup>	3.0	76	74-76	T	E	E	E	
11	identificazione madre <sup>10</sup>	14.0	90	77-90	T	E	E	E	
12	codice di razza madre <sup>55</sup>	3.0	93	91-93	T	E	E	E	
13	razza principale dell'animale <sup>55</sup>	3.0	96	94-96	T	E	E	E	
14	parte di sangue della razza principale [%]	3.0	99	97-99	I	E	E	E	
15	2. razza dell'animale <sup>55</sup>	3.0	102	100-102	T	E	E	E	
16	parte di sangue della 2. razza [%]	3.0	105	103-105	I	E	E	E	
17	3. razza dell'animale <sup>55</sup>	3.0	108	106-108	T	E	E	E	
18	parte di sangue della 3. razza [%]	3.0	111	109-111	I	E	E	E	
19	sezzo <sup>11</sup>	1.0	112	112-112	I	E	E	E	
20	identificazione azienda <sup>2</sup> dell'allevatore	10.0	122	113-122	I	E	E	E	
21	identificazione azienda dell'allevatore secondo BDTA	7.0	129	123-129	I	E	E	E	
22	data entrata	8.0	137	130-137	I	E	E	E	
23	data uscita	8.0	145	138-145	I	E	E	E	
24	causa uscita <sup>28</sup>	1.0	146	146-146	I	E	E	E	
25	nome animale lungo	56.0	202	147-202	T	E	E	E	
26	tenuta in zona di montagna da	8.0	210	203-210	I	E		-	
27	tenuta in zona di montagna a	8.0	218	211-218	I	E		-	
28	tenuta in zona di montagna ubicazione <sup>2</sup>	10.0	228	219-228	I	E		-	
29	contingente supplementare anno	4.0	232	229-232	I	E		-	
30	contingente supplementare cantone	2.0	234	233-234	T	E		-	
31	colore <sup>57</sup>	2.0	236	235-236	I	E		E	
32	ID animale originale (ID estera)	20.0	256	237-256	T	E		E	
33	consorzio (iscrizione)	20.0	276	257-276	T	E		E	
34	codice Triple aAa	6.0	282	277-282	T	E		E	
35	numero progressivo nella mandria	4.0	286	283-286	T	E	E	E	
36	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0	288	287-288	I	E	E	E	
	totale 288								

il tipo di serie Y01 contiene i dati di base degli animali

0

1	<b>tipo serie Y02</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E		
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E		
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E		
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E		
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E		
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E		
8	data nascita animale	8.0	59	52-59	I	E	E		
9	identificazione padre <sup>10</sup>	14.0	73	60-73	T	E	E		
10	codice di razza padre <sup>55</sup>	3.0	76	74-76	T	E	E		
11	nome padre	12.0	88	77-88	T	E	E		
12	data di nascita P	8.0	96	89-96	I	E	E		
13	identificazione padre del padre <sup>10</sup>	14.0	110	97-110	T	E	E		
14	codice di razza padre del padre <sup>55</sup>	3.0	113	111-113	T	E	E		
15	nome padre del padre	12.0	125	114-125	T	E	E		
16	data di nascita PP	8.0	133	126-133	I	E	E		
17	identificazione madre del padre <sup>10</sup>	14.0	147	134-147	T	E	E		
18	codice di razza madre del padre <sup>55</sup>	3.0	150	148-150	T	E	E		
19	nome madre del padre	12.0	162	151-162	T	E	E		
20	data di nascita MP	8.0	170	163-170	I	E	E		
21	identificazione madre <sup>10</sup>	14.0	184	171-184	T	E	E		
22	codice di razza madre <sup>55</sup>	3.0	187	185-187	T	E	E		
23	nome madre	12.0	199	188-199	T	E	E		
24	data di nascita M	8.0	207	200-207	I	E	E		
25	identificazione padre della madre <sup>10</sup>	14.0	221	208-221	T	E	E		
26	codice di razza padre della madre <sup>55</sup>	3.0	224	222-224	T	E	E		
27	nome padre della madre	12.0	236	225-236	T	E	E		
28	data di nascita PM	8.0	244	237-244	I	E	E		
29	identificazione madre della madre <sup>10</sup>	14.0	258	245-258	T	E	E		
30	codice di razza madre della madre <sup>55</sup>	3.0	261	259-261	T	E	E		
31	nome madre della madre	12.0	273	262-273	T	E	E		
32	data di nascita MM	8.0	281	274-281	I	E	E		
	totale 281								

il tipo di serie Y02 contiene l'ascendenza degli animali



0

1	<b>tipo serie Y13</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E		
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E		
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E		
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E		
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E		
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E		
8	data della valutazione dell'ascendenza	8.0	59	52-59	I	E	E		
9	indice di sicurezza valore genetico latte [%]	2.0	61	60-61	I	E	E		
10	valore genetico latte	5.0	66	62-66	VI	E	E		
11	valore genetico grasso kg	4.0	70	67-70	VI	E	E		
12	valore genetico grasso %	5.2	75	71-75	VR	E	E		
13	valore genetico proteine kg	4.0	79	76-79	VI	E	E		
14	valore genetico proteine %	5.2	84	80-84	VR	E	E		
15	base <sup>38</sup>	6.0	90	85-90	T	E	E		
16	valore latte	4.0	94	91-94	I	E			
			94						
	totale 94								

il tipo di serie Y13 contiene i dati della valutazione dell'ascendenza degli animali

1	<b>tipo serie Y16</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E		E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E		E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E		E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E		E	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E		E	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E		E	
8	data registrazione	8.0	59	52-59	I	E		E	
9	marcatore genetico <sup>35</sup>	4.0	63	60-63	I	E		E	
10	espressione <sup>58</sup>	10.0	73	64-73	T	E		E	
11	sicurezza <sup>59</sup>	2.0	75	74-75	I	E		E	
12	tipo di marcatore <sup>86</sup>	2.0	77	76-77	I	E	E	E	
13	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0	79	78-79	I	E	E	E	
	totale 79								

il tipo di serie Y16 contiene i dati dei marcatori genetici degli animali

0

1	<b>tipo serie Y20</b>	3.0	3	1-3	T				
2	numero versione tipo di serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I				
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I				
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I				
5	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione al trattamento	10.0	32	23-32	I				
6	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	39	33-39	I				
7	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	53	40-53	T				
8	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	56	54-56	T				
9	nome animale	12.0	68	57-68	T				
10	data diagnosi	8.0	76	69-76	I				
11	codice diagnosi <sup>21</sup>	10.0	86	77-86	T				
12	testo diagnosi	75.0	161	87-161	T				
13	prezzo diagnosi	8.2	169	162-169	R				
14	identificazione veterinario <sup>22</sup>	15.0	184	170-184	T				
15	dati veterinario True/False si/no	1.0	185	185-185	I				
16	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0	187	186-187	I				
	totale 187								

il tipo di serie Y20 contiene i dati sanitari degli animali del programma veterinario

1	<b>tipo serie Y21</b>	3.0	3	1-3	T	
2	numero versione tipo di serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	
3	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	19	6-19	T	
4	nome animale	12.0	31	20-31	T	
5	data entrata	8.0	39	32-39	I	
6	data uscita	8.0	47	40-47	I	
7	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione	10.0	57	48-57	I	
8	identificazione azienda secondo BDTA ubicazione	7.0	64	58-64	I	
9	tipo ubicazione <sup>61</sup>	1.0	65	65-65	I	
10	motivo dell'uscita <sup>28</sup>	1.0	66	66-66	I	
11	per importazione, paese d'origine <sup>5</sup>	3.0	69	67-69	T	
12	per esportazione, paese di destinazione <sup>5</sup>	3.0	72	70-72	T	
13	data di nascita	8.0	80	73-80	D	BDTA
14	sexso <sup>11</sup>	1.0	81	81-81	I	BDTA
15	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	84	82-84	I	BDTA
16	affiliato a differenti OA <sup>70</sup>	1.0	85	85-85	I	BDTA
17	ID originale movimento BDTA	15.0	100	86-100	I	BDTA
18	ID attuale movimento BDTA	15.0	115	101-115	I	BDTA
19	codice mutazione <sup>71</sup>	1.0	116	116-116	T	BDTA
20	motivo principale per l'uscita <sup>73</sup>	3.0	119	117-119	I	BDTA
21	secondo motivo per l'uscita <sup>73</sup>	3.0	122	120-122	I	BDTA
22	tenuta animale tutto l'anno (n. BDTA azienda)	7.0	129	123-129	I	BDTA
23	tenuta animale temporanea (n. BDTA azienda)	7.0	136	130-136	I	BDTA
24	tipo di uscita <sup>82</sup>	2.0	138	137-138	I	BDTA
25	attuale tipo d'utilizzo <sup>83</sup>	1.0	139	139-139	I	BDTA
totale 139						

il tipo di serie Y21 contiene la storia delle ubicazioni degli animali, per ubicazione un record con data

1	<b>tipo serie Y22</b>	3.0			T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	versione formato serie <sup>1</sup>	2.0			I	E			
3	identificazione animale <sup>10</sup> formato CH	14.0			T	E			
4	identificazione animale <sup>10</sup> formato ITB	19.0			T	E			
5	codice di razza animale <sup>55</sup> formato CH	3.0			T	E			
6	nome animale	12.0			T	E			
7	data tipizzazione (opzione,in bianco = prevista)	8.0			D	E			
8	tipo chip <sup>76</sup>	2.0			I	E			
9	stato tipizzazione <sup>77</sup>	2.0			I	E			
10	organizzazione di tipizzazione	variabile			T	E			
11	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0			I	E			
totale		variabile							

il tipo di serie Y22 contiene le informazioni sulle tipizzazioni SNP  
i campi sono separati con il separatore ;

1	<b>tipo di serie Y23</b>	3.0			T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	versione formato di serie <sup>1</sup>	2.0			I	E	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0			I	E	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0			I	E	E	E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0			I	E	E	E	
6	animale codice di razza <sup>55</sup>	3.0			I	E	E	E	
7	animale parte di sangue in %	3.2			I	E	E	E	
8	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0			I	E	E	E	
totale		variabile							

il tipo di serie Y23 contiene informazioni sulle parti di razza, un animale può avere più iscrizioni,  
la somma delle parti di sangue è massimo 100  
i campi sono separati con il separatore ;

0

1	<b>tipo serie K03</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione dove è stato raccolto il campione di latte	10.0	61	52-61	I	E	E	E
9	identificazione azienda secondo BDTA, ubicazione dove è stato raccolto il campione di latte	7.0	68	62-68	I	E	E	E
10	data parto	8.0	76	69-76	I	E	E	E
11	numero lattazione	2.0	78	77-78	I	E	E	E
12	numero campione	3.0	81	79-81	I	E	E	E
13	data pesatura	8.0	89	82-89	I	E	E	E
14	latte [kg]	4.1	93	90-93	R	E	E	E
15	grasso [%]	4.2	97	94-97	R	E	E	E
16	proteine [%]	4.2	101	98-101	R	E	E	E
17	lattosio [%]	4.2	105	102-105	R	E	E	E
18	persistenza di pesatura [%]	3.0	108	106-108	I	E	E	E
19	n. cellule [x 1000/ml]	4.0	112	109-112	I	E	E	E
20	urea nel latte [mg/dl]	3.0	115	113-115	I	E	E	E
21	osservazione <sup>12</sup>	2.0	117	116-117	I	E	E	E
22	altitudine alpeggio [x 100 m]	2.0	119	118-119	I	E	E	E
23	citrato [mg/dl]	3.0	122	120-122	I	-	E	E
24	metodo di mungitura <sup>62</sup>	2.0	124	123-124	I	E	E	E
25	metodo di pesatura <sup>63</sup>	2.0	126	125-126	I	E	E	E
26	acetone [mg/l]	3.0	129	127-129	I	E	E	-
27	latte kg pesato al mattino	4.1	133	130-133	R	E	E	E
28	latte kg pesato alla sera	4.1	137	134-137	R	E	E	E
29	grasso [%] misurato	4.2	141	138-141	R	E	E	E
30	proteine [%] misurato	4.2	145	142-145	R	E	E	E
31	codice pesatura <sup>78</sup>	2.0	147	146-147	I	E	E	E
32	codice laboratorio <sup>79</sup>	2.0	149	148-149	I	E	E	E
33	orario mungitura mattino	5.0	154	150-154	T	E	E	E
34	orario mungitura sera	5.0	159	155-159	T	E	E	E
35	iscrizione EAM <sup>80</sup>	2.0	161	160-161	I	E	E	E
36	iscrizione DLC <sup>81</sup>	2.0	163	162-163	I	E	E	E
37	caseina [%] misurato	4.2	167	164-167	R			
38	numero progressivo nella mandria	4.0	171	168-171	I			
39	tipo di pesatura	1.0	172	172-172	I			
40	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0	174	173-174	I	E	E	E
	totale 174							

il tipo di serie K03 contiene i risultati delle attuali pesature del latte delle vacche

#### tipo serie K33

il tipo di serie K33 contiene i risultati di tutte le pesature del latte delle vacche struttura analoga a K03

						0		
1	<b>tipo serie K04</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione dove è avvenuta la produttività	10.0	61	52-61	I	E	E	E
9	identificazione azienda secondo BDTA, ubicazione dove è avvenuta la produttività	7.0	68	62-68	I	E	E	E
10	numero di lattazione	2.0	70	69-70	I	E	E	E
11	data di parto	8.0	78	71-78	I	E	E	E
12	età al parto <sup>8</sup>	5.2	83	79-83	R	E	E	E
13	tipo di chiusura <sup>13</sup>	1.0	84	84-84	I	E	E	E
14	giorni con latte	4.0	88	85-88	I	E	E	E
15	latte [kg]	5.0	93	89-93	I	E	E	E
16	grasso [kg]	4.0	97	94-97	I	E	E	E
17	grasso [%]	4.2	101	98-101	R	E	E	E
18	proteine [kg]	4.0	105	102-105	I	E	E	E
19	proteine [%]	4.2	109	106-109	R	E	E	E
20	lattosio [kg]	4.0	113	110-113	I	E	-	-
21	n. cellule [x 1000/ml]	5.0	118	114-118	I	E	-	-
22	urea nel latte [mg/dl]	3.0	121	119-121	I	-	-	-
23	persistenza di lattazione [%]	3.0	124	122-124	I	E	E	E
24	intervallo parto - ultima inseminazione [giorni]	3.0	127	125-127	I	E	E	E
25	punti indice / produttività sulla lattazione	3.0	130	128-130	I	E	E	E
26	Ø punti indice / produttività azienda	3.0	133	131-133	I	E	-	-
27	media aziendale purgata <sup>36</sup>	5.0	138	134-138	I	E	E	E
28	zona di catasto / livello	1.0	139	139-139	I	E	E	E
29	alpeggio <sup>14</sup>	1.0	140	140-140	I	E	E	E
30	codice di lattazione <sup>15</sup>	1.0	141	141-141	I	E	E	E
31	regione <sup>29</sup>	2.0	143	142-143	I	-	E	-
32	metodo di mungitura <sup>62</sup>	2.0	145	144-145	I	E	E	E
33	metodo di pesatura <sup>63</sup>	2.0	147	146-147	I	E	E	E
totale 147								

I tipo di serie K04 contiene i dati della lattazione

<b>tipo serie K44</b>
totale 147

il tipo di serie K44 contiene i dati delle medie di lattazione; struttura analoga a K04

						0		
1	<b>tipo serie K45</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione dove è avvenuta una produttività	10.0	61	52-61	I	E	E	E
9	identificazione azienda secondo BDTA, ubicazione dove è avvenuta una produttività	7.0	68	62-68	I	E	E	E
10	giorni con latte	5.0	73	69-73	I	E	E	E
11	numero lattazioni	3.0	76	74-76	I	E	E	E
12	latte [kg]	6.0	82	77-82	I	E	E	E
13	grasso [kg]	4.0	86	83-86	I	E	E	E
14	grasso [%]	4.2	90	87-90	R	E	E	E
15	proteine [kg]	4.0	94	91-94	I	E	E	E
16	proteine [%]	4.2	98	95-98	R	E	E	E
17	lattosio [kg]	4.0	102	99-102	I	E	-	-
totale 102								

il tipo di serie K45 contiene i dati della carriera produttiva

						0		
1	<b>tipo serie K05</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	
8	cantone <sup>4</sup>	2.0	53	52-53	T	E	E	
9	data di valutazione <sup>37</sup>	8.0	61	54-61	I	E	E	
10	nota formato	2.0	63	62-63	I	E	E	
11	nota arti	2.0	65	64-65	I	E	E	
12	nota mammella	2.0	67	66-67	I	E	E	
13	nota capezzoli	2.0	69	68-69	I	E	E	
14	punteggio totale	2.0	71	70-71	I	-	E	
15	contrassegno <sup>32</sup> fertilità	1.0	72	72-72	I	E	-	
16	contrassegno <sup>32</sup> produttività duratura	1.0	73	73-73	I	E	-	
17	contrassegno <sup>32</sup> famiglie d'allevamento	1.0	74	74-74	I	E	E	
18	nota telaio (caprini, ovini)	1.0	75	75-75	I			
19	nota lana (caprini, ovini)	1.0	76	76-76	I			
	totale 76							

il tipo di serie K05 contiene i dati delle valutazioni cantonali e dei contrassegni delle vacche

0

1	<b>tipo serie K07 per vacche brune e vacche Jersey</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E
8	numero di lattazione	2.0	53	52-53	I	E
9	data descrizione <sup>41</sup>	8.0	61	54-61	I	E
10	tipo Record <sup>53</sup>	1.0	62	62-62	I	E
11	formato altezza al garrese [cm]	5.2	67	63-67	VR	E
12	formato lunghezza bacino [cm]	5.2	72	68-72	VR	E
13	formato perimetro tracico [cm] (solo fino al 7.2008)	5.2	77	73-77	VR	E
14	formato lunghezza (solo fino al 7.2008)	5.2	82	78-82	VR	E
15	formato angolo groppa	5.2	87	83-87	VR	E
16	formato profondità (dal 8.2008 nuovo profondità fianchi in cm)	5.2	92	88-92	VR	E
17	formato larghezza (dal 8.2008 nuovo larghezza bacino in cm)	5.2	97	93-97	VR	E
18	formato muscolosità	5.2	102	98-102	VR	E
19	formato linea dorsale	5.2	107	103-107	VR	E
20	arti garretti angolazione	5.2	112	108-112	VR	E
21	arti garretti espressione	5.2	117	113-117	VR	E
22	arti pastoie	5.2	122	118-122	VR	E
23	arti spessore talloni	5.2	127	123-127	VR	E
24	mammella lunghezza quarti anteriori	5.2	132	128-132	VR	E
25	mammella quarti posteriori (solo fino al 7.2008)	5.2	137	133-137	VR	E
26	mammella larghezza attacco posteriore	5.2	142	138-142	VR	E
27	mammella altezza attacco posteriore	5.2	147	143-147	VR	E
28	mammella attacco quarti anteriori	5.2	152	148-152	VR	E
29	mammella profondità mammella	5.2	157	153-157	VR	E
30	mammelle legamento sospensorio	5.2	162	158-162	VR	E
31	capezzoli espressione (dal 8.2008 spessore capezzoli; scala inversa: 1= fini, 9 = grossi)	5.2	167	163-167	VR	E
32	capezzoli lunghezza capezzoli	5.2	172	168-172	VR	E
33	capezzoli ripartizione davanti	5.2	177	173-177	VR	E
34	capezzoli ripartizione dietro	5.2	182	178-182	VR	E
35	capezzoli posizione	5.2	187	183-187	VR	E
36	capezzoli capezzoli supplementari	5.2	192	188-192	VR	E
37	nota formato (fino al 7.2008)	5.2	197	193-197	VR	E
38	nota arti	5.2	202	198-202	VR	E
39	nota mammella (dal 8.2008 VG compresi capezzoli)	5.2	207	203-207	VR	E
40	nota capezzoli (dal 8.2008 nessun VG)	5.2	212	208-212	VR	E
41	nota totale	5.2	217	213-217	VR	E
42	B%	2.0	219	218-219	I	E
43	Body Condition Score (BCS)	5.2	224	220-224	I	E
44	formato posizione dell'anca	5.2	229	225-229	VR	E
45	formato larghezza torace	5.2	234	230-234	VR	E
46	formato altezza al sacro [cm] (VG da agosto 2010)	5.2	239	235-239	VR	E
47	formato profondità fianchi [cm]	5.2	244	240-244	VR	E
48	formato larghezza bacino [cm]	5.2	249	245-249	VR	E
49	mammella equilibrio mammella (VG da agosto 2010)	5.2	254	250-254	VR	E
50	nota telaio	5.2	259	255-259	VR	E
51	nota bacino	5.2	264	260-264	VR	E
	totale 264					

il tipo di serie K07 contiene i dati della descrizione lineare delle vacche e si differenzia secondo la federazione d'allevamento



0

1	<b>tipo serie K07 per vacche Holstein</b>	3.0	3	1-3	T	<b>H</b>
2	numero versione formato serie	2.0	5	4-5	I	E
3	identificazione azienda ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E
8	numero di lattazione	2.0	53	52-53	I	E
9	data descrizione	8.0	61	54-61	I	E
10	altezza al garrese (cm)	3.0	64	62-64	I	E
11	altezza al garrese (nota)	1.0	65	65-65	I	E
12	perimetro toracico (cm)	3.0	68	66-68	I	E
13	perimetro toracico (nota)	1.0	69	69-69	I	E
14	altezza relativa avantreno	1.0	70	70-70	I	E
15	forza	1.0	71	71-71	I	E
16	profondità	1.0	72	72-72	I	E
17	lombo	1.0	73	73-73	I	E
18	angolo groppa	1.0	74	74-74	I	E
19	larghezza bacino	1.0	75	75-75	I	E
20	carattere da latte	1.0	76	76-76	I	E
21	ossatura	1.0	77	77-77	I	E
22	angolazione arti posteriori	1.0	78	78-78	I	E
23	angolo piede	1.0	79	79-79	I	E
24	altezza unghioni	1.0	80	80-80	I	E
25	posizione arti posteriori	1.0	81	81-81	I	E
26	movimento	1.0	82	82-82	I	E
27	attacco anteriore	1.0	83	83-83	I	E
28	altezza attacco posteriore	1.0	84	84-84	I	E
29	larghezza attacco posteriore	1.0	85	85-85	I	E
30	legamento sospensorio	1.0	86	86-86	I	E
31	profondità mammella	1.0	87	87-87	I	E
32	ghiandolosità	1.0	88	88-88	I	E
33	lunghezza capezzoli	1.0	89	89-89	I	E
34	distribuzione capezzoli davanti	1.0	90	90-90	I	E
35	distribuzione capezzoli dietro	1.0	91	91-91	I	E
36	formato e capacità	2.0	93	92-93	I	E
37	bacino	2.0	95	94-95	I	E
38	arti	2.0	97	96-97	I	E
39	predisposizione mammella	2.0	99	98-99	I	E
40	nota totale	2.0	101	100-101	I	E
41	BCS	4.2	105	102-105	I	E
	totale 105					

il tipo di serie K07 contiene i dati della descrizione lineare delle vacche e si differenzia secondo la federazione d'allevamento



						0		
1	<b>tipo serie K08</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione dell'esame	10.0	61	52-61	I	E	E	
9	identificazione azienda secondo TVD	7.0	68	62-68	I	E	E	
10	numero di lattazione	2.0	70	69-70	I	E	E	
11	data parto	8.0	78	71-78	I	E	E	
12	data esame	8.0	86	79-86	I	E	E	
13	indice anteriore, IA [%]	2.0	88	87-88	I	E	E	
14	Ø flusso al minuto, FMM [kg/min]	4.2	92	89-92	R	E	E	
15	sgocciolatura, SG [kg]	4.2	96	93-96	R	E	E	
totale 96								

il tipo di serie K08 contiene i dati degli esami d'attitudine alla mungitura delle vacche

						0		
1	<b>tipo serie K09</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E
8	data dell'ultima stima dei valori genetici	8.0	59	52-59	I	E	E	E
9	tipo del valore genetico <sup>54</sup>	1.0	60	60-60	T	E	-	-
10	indice di sicurezza valore genetico latte [%]	2.0	62	61-62	I	E	E	E
11	valore genetico latte	5.0	67	63-67	VI	E	E	E
12	valore genetico grasso kg	4.0	71	68-71	VI	E	E	E
13	valore genetico grasso %	5.2	76	72-76	VR	E	E	E
14	valore genetico proteine kg	4.0	80	77-80	VI	E	E	E
15	valore genetico proteine %	5.2	85	81-85	VR	E	E	E
16	base VG latte <sup>38</sup>	6.0	91	86-91	T	-	E	-
17	indice di sicurezza valore genetico n. cellule [%]	2.0	93	92-93	I	-	-	-
18	indice valore genetico n. cellule	5.0	98	94-98	I	E	E	E
19	indice totale economico (ITE)	3.0	104	99-104	†	E	-	-
20	valore latte (VL) / IPL	4.0	105	102-105	I	E	E	E
21	VG persistenza indice di sicurezza	2.0	107	106-107	I	E	E	E
22	indice VG persistenza	3.0	110	108-110	I	E	E	E
23	indice totale economico con base 1000 (ISET,ITE)	4.0	114	111-114	I	E	E	E
24	label valore genetico latte, grasso, proteine <sup>84</sup>	3.0	117	115-117	T	E	E	E
25	label valore genetico numero di cellule <sup>84</sup>	3.0	120	118-120	T	E	E	E
26	label valore genetico persistenza <sup>84</sup>	3.0	123	121-123	T	E	E	E
27	VG efficienza risparmio foraggio B%	2.0	125	124-125	I	-	E	E
28	VG efficienza risparmio foraggio indice	3.0	128	126-128	I	-	E	E
29	Label VG efficienza risparmio foraggio <sup>84</sup>	3.0	131	129-131	T	-	E	E
30	<b>VG resistenza alle mastiti B%</b>	<b>2.0</b>	<b>133</b>	<b>132-133</b>	<b>I</b>	<b>-</b>	<b>-</b>	<b>-</b>
31	<b>VG resistenza alle mastiti indice</b>	<b>3.0</b>	<b>136</b>	<b>134-136</b>	<b>I</b>	<b>-</b>	<b>-</b>	<b>-</b>
32	<b>label valore genetico resistenza alle mastiti<sup>84</sup></b>	<b>3.0</b>	<b>139</b>	<b>137-139</b>	<b>T</b>	<b>-</b>	<b>-</b>	<b>-</b>
totale 139								

il tipo di serie K09 contiene i valori genetici delle vacche

						0			
1	<b>tipo serie K10</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E	E	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E	E	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E	E	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E	E	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E	E	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E	E	
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione all'inseminazione / monta	10.0	61	52-61	I	E	E	E	
9	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	68	62-68	I	E	E	E	
10	numero di lattazione	2.0	70	69-70	I	E	E	E	
11	vacche / manza <sup>9</sup>	1.0	71	71-71	I	E	E	E	
12	data ultimo parto	8.0	79	72-79	I	E	E	E	
13	data inseminazione / monta	8.0	87	80-87	I	E	E	E	
14	codice inseminazione / monta <sup>17</sup>	1.0	88	88-88	I	E	E	E	
15	numero dell'inseminazione / monta	2.0	90	89-90	I	E	E	E	
16	identificazione toro <sup>10</sup>	14.0	104	91-104	T	E	E	E	
17	codice di razza toro <sup>55</sup>	3.0	107	105-107	T	E	E	E	
18	nome toro	12.0	119	108-119	T	E	E	E	
19	data inseminazione / monta precedente	8.0	127	120-127	I	E	E	E	
20	codice fornitore dati <sup>43</sup>	2.0	129	128-129	I	-		-	
21	identificazione fornitore dati <sup>44</sup>	7.0	136	130-136	T	-		-	
22	codice inseminatore <sup>45</sup>	2.0	138	137-138	I	-		-	
23	codice toro di testaggio <sup>46</sup>	1.0	139	139-139	I	-		-	
24	codice cambiamento di toro <sup>47</sup>	1.0	140	140-140	I	-		-	
25	categoria di tori <sup>48</sup>	2.0	142	141-142	T	-		-	
26	contenitore aziendale <sup>49</sup>	1.0	143	143-143	I	-		-	
27	prenotazione <sup>50</sup>	1.0	144	144-144	I	-		-	
28	codice speciale <sup>51</sup>	2.0	146	145-146	I	-		-	
29	data eiaculato	8.0	154	147-154	I	-		-	
30	trattamento del seme <sup>72</sup>	1.0	155	155-155	T	-		-	
31	ID inseminazione <sup>64</sup>	15.0	170	156-170	I	-		-	
32	codice mutazione <sup>65</sup>	1.0	171	171-171	T	-		-	
33	codice fornitore dati <sup>43</sup> completa campo 128 - 129	8.0	179	172-179	I				
34	per ET, identificazione della madre genetica <sup>10</sup>	14.0	193	180-193	I				
35	per ET, codice di razza della madre genetica <sup>55</sup>	3.0	196	194-196	I				
36	sperma sessato sesso <sup>11</sup>	1.0	197	197-197	I				
37	data di copertura fino a (per periodi di monta)	8.0	205	197-205	I	E	E	E	
38	provenienza dei dati <sup>85</sup>	2.0	207	198-207	I	E	E	E	
	totale 207								

I tipo di serie K10 contiene i dati delle inseminazioni / monte delle vacche

						0				
1	<b>tipo serie K11</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>	<b>KB</b>	
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	E	E			
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	E	E			
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	E	E			
5	identificazione madre <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	E	E			
6	codice di razza madre <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	E	E			
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	E	E			
8	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione al parto	10.0	61	52-61	I	E	E			
9	identificazione azienda secondo BDTA al momento del parto	7.0	68	62-68	I	E	E			
10	numero di lattazione	2.0	70	69-70	I	E	E			
11	data parto	8.0	78	71-78	I	E	E			
12	identificazione vitello <sup>10</sup>	14.0	92	79-92	T	E	E			
13	codice di razza vitello <sup>55</sup>	3.0	95	93-95	T	E	E			
14	Sesso <sup>11</sup>	1.0	96	96-96	I	E	E			
15	gemelli/trigemino <sup>18</sup>	1.0	97	97-97	I	E	E			
16	identificazione padre <sup>10</sup>	14.0	111	98-111	T	E	E			
17	codice di razza padre <sup>55</sup>	3.0	114	112-114	T	E	E			
18	aborto	1.0	115	115-115	I	E	E			
19	interparto [giorni]	3.0	118	116-118	I	E	E			
20	decorso del parto <sup>19</sup>	1.0	119	119-119	I	E	E			
21	vitello deceduto entro 24 ore <sup>20</sup>	1.0	120	120-120	I	E	E			
22	peso alla nascita	2.0	122	121-122	I	-	E			
23	colore <sup>57</sup>	2.0	124	123-124	I	-	E			
24	certificato richiesto <sup>56</sup>	1.0	125	125-125	I	E	E			
25	per ET, identificazione della madre genetica <sup>10</sup>	14.0	139	126-139	I	-	E			
26	per ET, codice di razza della madre genetica <sup>55</sup>	3.0	142	140-142	I	-	E			
27	data inseminazione / monta	8.0	150	143-150	I					
28	castrato <sup>56</sup>	1.0	151	151-151	I					
29	nato morto <sup>67</sup>	1.0	152	152-152	I					TVD
30	momento della morte <sup>68</sup>	3.0	155	153-155	I					TVD
31	codice tara ereditaria <sup>69</sup>	3.0	158	156-158	I					TVD
32	codice tara ereditaria <sup>69</sup>	3.0	161	159-161	I					TVD
33	tara ereditaria / malformazione	36.0	197	162-197	T					TVD
34	ID originale movimento BDTA	15.0	212	198-212	I					TVD
35	ID attuale movimento BDTA	15.0	227	213-227	I					TVD
36	codice mutazione <sup>71</sup>	1.0	228	228-228	T					TVD
37	malformazione <sup>74</sup>	3.0	231	229-231	I					TVD
38	numero campione punzonato	6.0	237	232-237						TVD
39	data di nascita della madre	8.0	245	238-245	I					TVD
40	identificazione azienda tenuta animali tutto l'anno secondo BDTA	7.0	252	246-252	I					TVD
totale 252										

il tipo di serie K11 contiene i dati sui parti delle vacche

						0				
1	<b>tipo serie S05</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>		
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö			
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö			
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö			
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö			
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö			
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö			
8	cantone <sup>4</sup>	2.0	53	52-53	T	Ö	Ö			
9	data di valutazione <sup>37</sup>	8.0	61	54-61	I	Ö	Ö			
10	nota formato	2.0	63	62-63	I	Ö	Ö			
11	nota arti	2.0	65	64-65	I	Ö	Ö			
12	punteggio totale	2.0	67	66-67	I	Ö	Ö			
13	contrassegno toro produttivo positivo <sup>32</sup>	1.0	68	68-68	I	Ö	-			
14	contrassegno famiglie d'allevamento <sup>32</sup>	1.0	69	69-69	I	Ö	Ö			
15	contrassegno collezione d'allevamento <sup>32</sup>	1.0	70	70-70	I	Ö	-			
16	tori ASVNM muscolosità	2.0	72	71-72	I	Ö				
17	tori ASVNM sintesi	2.0	74	73-74	I	Ö				
18	nota telaio (caprini, ovini)	1.0	75	75-75	I					
19	nota lana (caprini, ovini)	1.0	76	76-76	I					
	totale 76									

il tipo di serie S05 contiene i dati della valutazione cantonale dei tori

0

1	<b>tipo serie S07 per tori di razza Bruna</b>	3.0	3	1-3	T	B
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö
8	data ultima valutazione	8.0	59	52-59	I	Ö
9	numero figlie	5.0	64	60-64	I	Ö
10	B% VG	2.0	66	65-66	I	Ö
11	Ø altezza al garrese [cm]	5.1	71	67-71	R	Ö
12	indice altezza al garrese	5.0	76	72-76	I	Ö
13	Ø lunghezza bacino	5.1	81	77-81	R	-
14	indice lunghezza bacino	5.0	86	82-86	I	Ö
15	Ø perimetro toracico [cm]	5.1	91	87-91	R	Ö
16	indice perimetro toracico [cm] (solo fino al 7.2008)	5.0	96	92-96	I	Ö
17	indice lunghezza (solo fino al 7.2008)	5.0	101	97-101	I	Ö
18	indice angolo groppa	5.0	106	102-106	I	Ö
19	indice profondità (dal 8.2008 nuovo profondità fianchi)	5.0	111	107-111	I	Ö
20	indice linea dorsale	5.0	116	112-116	I	Ö
21	indice larghezza (dal 8.2008 nuovo larghezza bacino)	5.0	121	117-121	I	Ö
22	indice muscolosità	5.0	126	122-126	I	Ö
23	indice arti garretti angolazione	5.0	131	127-131	I	Ö
24	indice arti garretti espressione	5.0	136	132-136	I	Ö
25	indice arti pastoie	5.0	141	137-141	I	Ö
26	indice arti spessore talloni	5.0	146	142-146	I	Ö
27	indice mammella lunghezza quarti anteriori	5.0	151	147-151	I	Ö
28	indice mammella quarti posteriori (solo fino al 7.2008)	5.0	156	152-156	I	Ö
29	indice mammella larghezza attacco posteriore	5.0	161	157-161	I	Ö
30	indice mammella altezza attacco posteriore	5.0	166	162-166	I	Ö
31	indice mammella attacco quarti anteriori	5.0	171	167-171	I	Ö
32	indice mammella profondità mammella	5.0	176	172-176	I	Ö
33	indice mammella legamento sospensorio	5.0	181	177-181	I	Ö
34	indice spessore capezzoli (dal 8.2008 scala invertita: 1= fini, 9 = grossi)	5.0	186	182-186	I	Ö
35	indice capezzoli lunghezza capezzoli	5.0	191	187-191	I	Ö
36	indice capezzoli distribuzione capezzoli davanti	5.0	196	192-196	I	Ö
37	indice capezzoli distribuzione capezzoli dietro	5.0	201	197-201	I	Ö
38	indice capezzoli posizione capezzoli	5.0	206	202-206	I	Ö
39	indice nota formato (fino al 7.2008)	5.0	211	207-211	I	Ö
40	indice nota arti	5.0	216	212-216	I	Ö
41	indice nota mammella (dal 8.2008 compr. capezzoli)	5.0	221	217-221	I	Ö
42	indice nota capezzoli (fino al 7.2008)	5.0	226	222-226	I	Ö
43	indice nota totale	5.0	231	227-231	I	Ö
44	base <sup>38</sup>	6.0	237	232-237	T	Ö
45	capezzoli supplementari ciechi in %	5.2	242	238-242	VR	Ö
46	capezzoli supplementari vivi in %	5.2	247	243-247	VR	Ö
47	indice posizione dell'anca	5.0	252	248-252	I	Ö
48	indice larghezza torace	5.0	257	253-257	I	Ö
49	indice formato altezza al sacro	5.0	262	258-262	I	E
50	indice formato profondità fianchi	5.0	267	263-267	I	E
51	indice formato larghezza bacino	5.0	272	268-272	I	E
52	indice mammella equilibrio mammella	5.0	277	273-277	I	E
53	indice nota telaio	5.0	282	278-282	I	E
54	indice nota bacino	5.0	287	283-287	I	E
55	Ø altezza al sacro [cm]	5.2	292	288-292	VR	E
56	<b>tipo valore genetico</b>	<b>2.0</b>	<b>294</b>	<b>293-294</b>		
57	<b>indice telaio profondità</b>	<b>5.0</b>	<b>299</b>	<b>295-299</b>		
58	<b>indice telaio larghezza</b>	<b>5.0</b>	<b>304</b>	<b>300-304</b>		
59	<b>label valore genetico DLC<sup>84</sup></b>	<b>3.0</b>	<b>307</b>	<b>305-307</b>	<b>T</b>	<b>Ö</b>
totale 307						

il tipo di serie S07 contiene i risultati delle valutazioni della discendenza di tori e si differenzia secondo la federazione d'allevamento

0

1	<b>tipo serie S07 per tori swissherdbook</b>	3.0	3	1-3	T	<b>F</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö
8	data ultima valutazione <sup>37</sup>	8.0	59	52-59	I	Ö
9	numero figlie	5.0	64	60-64	I	Ö
10	indice di sicurezza nota totale	3.0	67	65-67	I	Ö
11	valore genetico altezza al garrese	5.1	72	68-72	VR	-
12	Ø altezza al garrese [cm]	5.1	77	73-77	R	-
13	valore genetico relativo altezza al garrese	3.0	80	78-80	I	-
14	valore genetico altezza al sacro	5.1	85	81-85	VR	-
15	Ø altezza al sacro [cm]	5.1	90	86-90	R	-
16	valore genetico relativo altezza al sacro [cm]	3.0	93	91-93	I	Ö
17	valore genetico perimetro toracico	5.1	98	94-98	VR	-
18	Ø perimetro toracico [cm]	5.1	103	99-103	R	-
19	valore genetico relativo perimetro toracico	3.0	106	104-106	I	-
20	valore genetico corporatura: larghezza torace	5.1	111	107-111	VR	-
21	Ø corporatura: larghezza torace	3.1	114	112-114	R	-
22	valore genetico relativo corporatura: larghezza torace	3.0	117	115-117	I	Ö
23	valore genetico corporatura: profondità fianchi	5.1	122	118-122	VR	-
24	Ø corporatura: profondità fianchi	3.1	125	123-125	R	-
25	valore genetico relativo corporatura: profondità fianchi	3.0	128	126-128	I	Ö
26	valore genetico corporatura: lunghezza bacino	5.1	133	129-133	VR	-
27	Ø corporatura: lunghezza bacino	3.1	136	134-136	R	-
28	valore genetico relativo corporatura: lunghezza bacino	3.0	139	137-139	I	-
29	valore genetico corporatura: angolo groppa	5.1	144	140-144	VR	-
30	Ø corporatura: angolo groppa	3.1	147	145-147	R	-
31	valore genetico relativo corporatura: angolo groppa	3.0	150	148-150	I	Ö
32	valore genetico corporatura: larghezza	5.1	155	151-155	VR	-
33	Ø corporatura: larghezza	3.1	158	156-158	R	-
34	valore genetico relativo corporatura: larghezza bacino	3.0	161	159-161	I	Ö
35	valore genetico corporatura: muscolosità / sostanza	5.1	166	162-166	VR	-
36	Ø corporatura: muscolosità / sostanza	3.1	169	167-169	R	-
37	valore genetico relativo corporatura:	3.0	172	170-172	I	Ö
38	valore genetico corporatura: espressione	5.1	177	173-177	VR	-
39	Ø corporatura: espressione	3.1	180	178-180	R	-
40	valore genetico relativo corporatura: espressione	3.0	183	181-183	I	Ö
41	valore genetico arti: angolazione garretti	5.1	188	184-188	VR	-
42	Ø arti: angolazione garretti	3.1	191	189-191	R	-
43	valore genetico relativo arti: angolazione garretti	3.0	194	192-194	I	Ö
44	valore genetico arti: espressione garretti	5.1	199	195-199	VR	-
45	Ø arti: espressione garretti	3.1	202	200-202	R	-
46	valore genetico relativo arti:	3.0	205	203-205	I	-
47	valore genetico arti: pastoie	5.1	210	206-210	VR	-
48	Ø arti: pastoie	3.1	213	211-213	R	-
49	valore genetico relativo arti: pastoie	3.0	216	214-216	I	-
50	valore genetico arti: spessore talloni	5.1	221	217-221	VR	-
51	Ø arti: spessore talloni	3.1	224	222-224	R	-
52	valore genetico relativo arti: spessore talloni	3.0	227	225-227	I	Ö
53	valore genetico arti: posizione dietro	5.1	232	228-232	VR	-
54	Ø arti: posizione dietro	3.1	235	233-235	R	-
55	valore genetico relativo arti: posizione dietro	3.0	238	236-238	I	Ö

continuazione tipo serie S07 per tori swissherdbook						F
56	valore genetico mammella: quarti anteriori	5.1	243	239-243	VR	-
57	Ø mammella: quarti anteriori	3.1	246	244-246	R	-
58	valore genetico relativo mammella: larghezza quarti	3.0	249	247-249	I	Ö
59	valore genetico mammella: attacco anteriore	5.1	254	250-254	VR	-
60	Ø mammella: attacco anteriore	3.1	257	255-257	R	-
61	valore genetico relativo mammella: attacco anteriore	3.0	260	258-260	I	Ö
62	valore genetico mammella: quarti posteriori	5.1	265	261-265	VR	-
63	Ø mammella: quarti posteriori	3.1	268	266-268	R	-
64	valore genetico relativo mammella: quarti posteriori	3.0	271	269-271	I	-
65	valore genetico mammella: altezza attacco posteriore	5.1	276	272-276	VR	-
66	Ø mammella: altezza attacco posteriore	3.1	279	277-279	R	-
67	valore genetico relativo mammella: altezza attacco	3.0	282	280-282	I	Ö
68	valore genetico mammella: legamento sospensorio	5.1	287	283-287	VR	-
69	Ø mammella: legamento sospensorio	3.1	290	288-290	R	-
70	valore genetico relativo mammella: legamento	3.0	293	291-293	I	Ö
71	valore genetico mammella: profondità mammella	5.1	298	294-298	VR	-
72	Ø mammella: profondità mammella	3.1	301	299-301	R	-
73	valore genetico relativo mammella: profondità	3.0	304	302-304	I	Ö
74	valore genetico mammella: ghiandolosità	5.1	309	305-309	VR	-
75	Ø mammella: ghiandolosità	3.1	312	310-312	R	-
76	valore genetico relativo mammella: ghiandolosità	3.0	315	313-315	I	Ö
77	valore genetico capezzoli: forma capezzoli	5.1	320	316-320	VR	-
78	Ø capezzoli: forma capezzoli	3.1	323	321-323	R	-
79	valore genetico relativo capezzoli: forma capezzoli	3.0	326	324-326	I	-
80	valore genetico capezzoli: lunghezza capezzoli	5.1	331	327-331	VR	-
81	Ø capezzoli: lunghezza capezzoli	3.1	334	332-334	R	-
82	valore genetico relativo capezzoli: lunghezza capezzoli	3.0	337	335-337	I	Ö
83	valore genetico distribuzione capezzoli davanti	5.1	342	338-342	VR	-
84	Ø capezzoli: distribuzione capezzoli davanti	3.1	345	343-345	R	-
85	valore genetico relativo capezzoli: distribuzione capezzoli davanti	3.0	348	346-348	I	Ö
86	valore genetico capezzoli: posizione capezzoli	5.1	353	349-353	VR	-
87	Ø capezzoli: posizione capezzoli	3.1	356	354-356	R	-
88	valore genetico relativo capezzoli: posizione capezzoli	3.0	359	357-359	I	-
89	valore genetico nota tipo	5.1	364	360-364	VR	-
90	Ø nota tipo	4.1	368	365-368	R	-
91	valore genetico relativo nota tipo	3.0	371	369-371	I	Ö
92	valore genetico nota arti	5.1	376	372-376	VR	-
93	Ø nota arti	4.1	380	377-380	R	-
94	valore genetico relativo nota arti	3.0	383	381-383	I	Ö
95	valore genetico nota mammella	5.1	388	384-388	VR	-
96	Ø nota mammella	4.1	392	389-392	R	-
97	valore genetico relativo nota mammella	3.0	395	393-395	I	Ö
98	valore genetico nota capezzoli	5.1	400	396-400	VR	-
99	Ø nota capezzoli	4.1	404	401-404	R	-
100	valore genetico relativo nota capezzoli	3.0	407	405-407	I	Ö
101	valore genetico nota totale	5.1	412	408-412	VR	-
102	Ø nota totale	4.1	416	413-416	R	-
103	valore genetico relativo nota totale	3.0	419	417-419	I	-
104	base <sup>38</sup>	6.0	425	420-425	T	Ö
105	tipo di Record <sup>53</sup>	2.0	427	426-427	T	Ö
106	valore genetico relativo: nota bacino	3.0	430	428-430	I	Ö
107	valore genetico relativo: altezza relativo arti anteriori	3.0	433	431-433	I	Ö
108	valore genetico relativo: reni	3.0	436	434-436	I	Ö
109	valore genetico relativo: carattere lattifero	3.0	439	437-439	I	Ö
110	valore genetico relativo: qualità ossatura	3.0	442	440-442	I	Ö
111	valore genetico relativo: angolo piedi	3.0	445	443-445	I	Ö
112	valore genetico relativo: mobilità	3.0	448	446-448	I	Ö
113	valore genetico relativo: larghezza attacco posteriore	3.0	451	449-451	I	Ö
114	valore genetico relativo: distribuzione capezzoli dietro	3.0	454	452-454	I	Ö
115	valore genetico relativo BCS	3.0	457	455-457	I	Ö
116	label valore genetico DLC <sup>84</sup>	3.0	460	458-460	T	Ö
	totale 460					

il tipo di serie S07 contiene i risultati delle valutazioni della discendenza di tori e si differenzia secondo la federazione d'allevamento

0

1	<b>tipo serie S07 per tori Holstein</b>	3.0	3	1-3	T	H
2	numero versione formato serie	2.0	5	4-5	I	Ö
3	identificazione azienda ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö
5	razza	2.0	24	23-24	I	Ö
6	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	38	25-38	T	Ö
7	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	41	39-41	T	Ö
8	nome animale	12.0	53	42-53	T	Ö
9	data ultima valutazione	8.0	61	54-61	I	Ö
10	numero figlie	5.0	66	62-66	I	Ö
11	B% VG	2.0	68	67-68	I	Ö
12	valore genetico altezza al garrese	5.1	73	69-73	VR	-
13	Ø altezza al garrese (cm)	5.1	78	74-78	R	Ö
14	indice altezza al garrese	3.0	81	79-81	I	Ö
15	valore genetico perimetro toracico	5.1	86	82-86	VR	-
16	Ø perimetro toracico (cm)	5.1	91	87-91	R	Ö
17	indice perimetro toracico	3.0	94	92-94	I	Ö
18	valore genetico corporatura: forza	5.1	99	95-99	VR	-
19	Ø corporatura: forza	3.1	102	100-102	R	-
20	indice corporatura: forza	3.0	105	103-105	I	Ö
21	valore genetico corporatura: profondità	5.1	110	106-110	VR	-
22	Ø corporatura: profondità	3.1	113	111-113	R	-
23	indice corporatura: profondità	3.0	116	114-116	I	Ö
24	valore genetico corporatura: lombo	5.1	121	117-121	VR	-
25	Ø corporatura: lombo	3.1	124	122-124	R	-
26	indice corporatura: lombo	3.0	127	125-127	I	Ö
27	valore genetico corporatura: lunghezza bacino	5.1	132	128-132	VR	-
28	Ø corporatura: lunghezza bacino	3.1	135	133-135	R	-
29	indice corporatura: lunghezza bacino	3.0	138	136-138	I	Ö
30	valore genetico corporatura: larghezza bacino	5.1	143	139-143	VR	-
31	Ø corporatura: larghezza bacino	3.1	146	144-146	R	-
32	indice corporatura: larghezza bacino	3.0	149	147-149	I	Ö
33	valore genetico corporatura: carattere lattiero	5.1	154	150-154	VR	-
34	Ø corporatura: carattere lattiero	3.1	157	155-157	R	-
35	indice corporatura: carattere lattiero	3.0	160	158-160	I	Ö
36	valore genetico corporatura: espressione	5.1	165	161-165	VR	-
37	Ø corporatura: espressione	3.1	168	166-168	R	-
38	indice corporatura: espressione	3.0	171	169-171	I	Ö
39	valore genetico arti: angolazione arti posteriori	5.1	176	172-176	VR	-
40	Ø arti: angolazione arti posteriori	3.1	179	177-179	R	-
41	indice arti: angolazione arti posteriori	3.0	182	180-182	I	Ö
42	valore genetico arti: pastoie	5.1	187	183-187	VR	-
43	Ø arti: pastoie	3.1	190	188-190	R	-
44	indice arti: pastoie	3.0	193	191-193	I	Ö
45	valore genetico arti: altezza unghioni	5.1	198	194-198	VR	-
46	Ø arti: altezza unghioni	3.1	201	199-201	R	-
47	indice arti: altezza unghioni	3.0	204	202-204	I	Ö
48	valore genetico arti: posizione arti posteriori	5.1	209	205-209	VR	-
49	Ø arti : posizione arti posteriori	3.1	212	210-212	R	-
50	indice arti : posizione arti posteriori	5.2	217	213-217	I	Ö
51	valore genetico predisposizione mammella: lunghezza quarti anteriori	5.1	222	218-222	VR	-
52	Ø predisposizione mammella: lunghezza quarti anteriori	3.1	225	223-225	R	-
53	indice predisposizione mammella: lunghezza quarti anteriori	5.2	230	226-230	I	Ö
54	valore genetico predisposizione mammella: attacco anteriore	5.1	235	231-235	VR	-
55	Ø predisposizione mammella: attacco anteriore	3.1	238	236-238	R	-
56	indice predisposizione mammella: attacco anteriore	5.2	243	239-243	I	Ö
57	valore genetico predisposizione mammella: altezza attacco posteriore	5.1	248	244-248	VR	-
58	Ø predisposizione mammella: altezza attacco posteriore	3.1	251	249-251	R	-
59	indice predisposizione mammella: altezza attacco posteriore	5.2	256	252-256	I	Ö
60	valore genetico predisposizione mammella: larghezza	5.1	261	257-261	VR	-
61	Ø predisposizione mammella: larghezza attacco posteriore	3.1	264	262-264	R	-
62	indice predisposizione mammella: larghezza attacco	5.2	269	265-269	I	Ö



<b>continuazione tipo serie S07 per tori Holstein</b>						<b>H</b>
63	valore genetico predisposizione mammella: legamento sospensorio	5.1	274	270-274	VR	-
64	Ø predisposizione mammella: legamento sospensorio	3.1	277	275-277	R	-
65	indice predisposizione mammella: legamento sospensorio	5.2	282	278-282	I	Ö
66	valore genetico predisposizione mammella: profondità mammella	5.1	287	283-287	VR	-
67	Ø predisposizione mammella: profondità mammella	3.1	290	288-290	R	-
68	indice predisposizione mammella: profondità mammella	5.2	295	291-295	I	Ö
69	valore genetico predisposizione mammella: ghiandolosità	5.1	300	296-300	VR	-
70	Ø predisposizione mammella: ghiandolosità	3.1	303	301-303	R	-
71	indice predisposizione mammella: ghiandolosità	5.2	308	304-308	I	Ö
72	valore genetico predisposizione mammella: lunghezza capezzoli	5.1	313	309-313	VR	-
73	Ø predisposizione mammella: lunghezza capezzoli	3.1	316	314-316	R	-
74	indice predisposizione mammella: lunghezza capezzoli	5.2	321	317-321	I	Ö
75	valore genetico predisposizione mammella: distribuzione capezzoli davanti	5.1	326	322-326	VR	-
76	Ø predisposizione mammella: distribuzione capezzoli davanti	3.1	329	327-329	R	-
77	indice predisposizione mammella: distribuzione capezzoli davanti	5.2	334	330-334	I	Ö
78	valore genetico predisposizione mammella: distribuzione capezzoli dietro	5.1	339	335-339	VR	-
79	Ø predisposizione mammella: distribuzione capezzoli dietro	3.1	342	340-342	R	-
80	indice predisposizione mammella: distribuzione capezzoli dietro	5.2	347	343-347	I	Ö
81	valore genetico predisposizione mammella: posizione capezzoli e/i	5.1	352	348-352	VR	-
82	Ø predisposizione mammella: posizione capezzoli e/i	3.1	355	353-355	R	-
83	indice predisposizione mammella: posizione capezzoli e/i	5.2	360	356-360	I	Ö
84	valore genetico nota formato e capacità	5.1	365	361-365	VR	-
85	Ø nota formato e capacità	3.1	368	366-368	R	-
86	indice nota formato e capacità	5.2	373	369-373	I	Ö
87	valore genetico nota bacino	5.1	378	374-378	VR	-
88	Ø nota bacino	3.1	381	379-381	R	-
89	indice nota bacino	5.2	386	382-386	I	Ö
90	valore genetico nota carattere lattiero	5.1	391	387-391	VR	-
91	Ø nota carattere lattiero	3.1	394	392-394	R	-
92	indice nota carattere lattiero	5.2	399	395-399	I	Ö
93	valore genetico nota arti	5.1	404	400-404	VR	-
94	Ø nota arti	3.1	407	405-407	R	-
95	indice nota arti	3.0	410	408-410	I	Ö
96	valore genetico nota predisposizione mammella	5.1	415	411-415	VR	-
97	Ø nota predisposizione mammella	3.1	418	416-418	R	-
98	indice nota predisposizione mammella	3.0	421	419-421	I	Ö
99	valore genetico nota totale	5.1	426	422-426	VR	-
100	Ø nota totale	3.1	429	427-429	R	-
101	indice nota totale	3.0	432	430-432	I	Ö
102	indice BCS	3.0	435	433-435	I	P
103	label valore genetico DLC <sup>84</sup>	3.0	438	436-438	T	P
totale 438						

il tipo di serie S07 contiene i risultati delle valutazioni della discendenza di tori e si differenzia secondo la federazione d'allevamento

						0
1	<b>tipo serie S07 per tori Jersey</b>	3.0	3	1-3	T	J
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö
8	data ultima valutazione	8.0	59	52-59	I	Ö
9	numero figlie	5.0	64	60-64	I	Ö
10	B% VG	2.0	66	65-66	I	Ö
11	indice grandezza	4.0	70	67-70	I	Ö
12	indice angolo groppa	4.0	74	71-74	I	Ö
13	indice profondità	4.0	78	75-78	I	Ö
14	indice larghezza bacino	4.0	82	79-82	I	Ö
15	indice carattere lattiero	4.0	86	83-86	I	Ö
16	indice larghezza torace	4.0	90	87-90	I	Ö
17	indice arti angolazione arti posteriori	4.0	94	91-94	I	Ö
18	indice arti posizione arti posteriori	4.0	98	95-98	I	Ö
19	indice arti angolo piede	4.0	102	99-102	I	Ö
20	indice mammella quarti anteriori	4.0	106	103-106	I	Ö
21	indice mammella altezza attacco posteriore	4.0	110	107-110	I	Ö
22	indice mammella profondità mammella	4.0	114	111-114	I	Ö
23	indice mammella legamento sospensorio	4.0	118	115-118	I	Ö
24	indice capezzoli lunghezza	4.0	122	119-122	I	Ö
25	indice capezzoli distribuzione davanti	4.0	126	123-126	I	Ö
26	indice capezzoli distribuzione dietro	4.0	130	127-130	I	Ö
27	indice nota arti	4.0	134	131-134	I	Ö
28	indice nota mammella / capezzoli	4.0	138	135-138	I	Ö
29	indice nota totale	4.0	142	139-142	I	Ö
30	base <sup>38</sup>	6.0	148	143-148	T	Ö
totale 148						

il tipo di serie S07 contiene i risultati delle valutazioni della discendenza di tori e si differenzia secondo la federazione d'allevamento

						0		
1	<b>tipo serie S08</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö	
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö	
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö	
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö	
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö	
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö	
8	data ultima valutazione <sup>37</sup>	8.0	59	52-59	I	Ö	Ö	
9	numero figlie	5.0	64	60-64	I	Ö	Ö	
10	IA [%]	2.0	66	65-66	I	-	Ö	
11	FMM [kg/min]	4.2	70	67-70	R	Ö	Ö	
12	SG [kg]	4.2	74	71-74	R	-	Ö	
13	tipo valore genetico <sup>66</sup>	2.0	76	75-76	I	Ö	-	
14	VG EAM B%	2.0	78	77-78	I	Ö	Ö	
15	VG base <sup>38</sup>	6.0	84	79-84	T	Ö	Ö	
16	VG EAM indice	4.0	88	85-88	I	Ö	Ö	
17	VG tipo EAM <sup>54</sup>	2.0	90	89-90	I	-	-	
18	label valore genetico EAM <sup>84</sup>	3.0	93	91-93	T	Ö	Ö	
19	VG carattere/temperamento B%	2.0	95	94-95	I	-	Ö	
20	VG carattere/temperamento indice	3.0	98	96-98	I	-	Ö	
21	label valore genetico carattere/temperamento <sup>84</sup>	3.0	101	99-101	T	-	Ö	
totale 101								

il tipo di serie S08 contiene i risultati di prova in progenie della mungibilità dei tori

						0		
1	<b>tipo serie S10</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö	Ö
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö	Ö
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö	Ö
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö	Ö
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö	Ö
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö	Ö
8	data ultima valutazione <sup>37</sup>	8.0	59	52-59	I	Ö	Ö	Ö
9	numero figlie	5.0	64	60-64	I	Ö	Ö	Ö
10	indice di sicurezza VG latte [%]	3.0	67	65-67	I	Ö	Ö	Ö
11	Ø giorni di mungitura	3.0	70	68-70	I	Ö	Ö	Ö
12	valore genetico latte kg	5.0	75	71-75	VI / I	Ö	Ö	Ö
13	Ø latte kg 1. latt.	5.0	80	76-80	I	Ö	Ö	Ö
14	valore genetico grasso kg	4.0	84	81-84	VI / I	Ö	Ö	Ö
15	Ø grasso kg 1. latt.	4.0	88	85-88	I	Ö	Ö	Ö
16	valore genetico grasso %	5.2	93	89-93	VR / I	Ö	Ö	Ö
17	Ø grasso % 1. latt.	4.2	97	94-97	R	Ö	Ö	Ö
18	valore genetico proteine kg	4.0	101	98-101	VI / I	Ö	Ö	Ö
19	Ø proteine kg 1. latt.	4.0	105	102-105	R	Ö	Ö	Ö
20	valore genetico proteine %	5.2	110	106-110	VR / I	Ö	Ö	Ö
21	Ø proteine % 1. latt.	4.2	114	111-114	R	Ö	Ö	Ö
22	valore genetico persistenza indice	5.0	119	115-119	I	Ö	Ö	Ö
23	Ø persistenza % 1. latt.	5.1	124	120-124	R	-	-	-
24	base <sup>38</sup>	6.0	130	125-130	T	Ö	Ö	Ö
25	numero aziende	5.0	135	131-135	I	Ö	Ö	Ö
26	Ø numero pesature	3.0	138	136-138	I	-	Ö	Ö
27	tipo del valore genetico latte <sup>54</sup>	1.0	139	139-139	I	Ö	Ö	Ö
28	indice di sicurezza VG n. cellule [%]	2.0	141	140-141	I	Ö	Ö	Ö
29	valore genetico n. cellule indice	5.0	146	142-146	I	Ö	Ö	Ö
30	indice di sicurezza VG durata d'utilizzo [%]	2.0	148	147-148	I	Ö	Ö	Ö
31	valore genetico durata d'utilizzo indice	6.0	154	149-154	I	Ö	Ö	Ö
32	valore latte (VL, IPL)	3.0	157	155-157	I	Ö	Ö	Ö
33	valore fitness (VF, IFF)	3.0	160	158-160	I	Ö	Ö	Ö
34	valore morfologia	3.0	163	161-163	I	Ö	Ö	Ö
35	indice totale economico (ITE)	3.0	166	164-166	†	Ö	-	-
36	indice aumento della produttività	3.0	169	167-169	I	Ö	Ö	Ö
37	valore genetico ecologico (VGE)	3.0	172	170-172	I	-	-	-
38	figlie scartate in %	3.0	175	173-175	I	Ö	Ö	Ö
39	numero figlie produttività fenotipica	6.0	181	176-181	I	Ö	Ö	Ö
40	IVF valore carne	6.0	187	182-187	I	Ö	Ö	Ö
41	VG persistenza B%	2.0	189	188-189	I	Ö	Ö	Ö
42	VG tipo n. cellule <sup>54</sup>	2.0	191	190-191	I	-	-	-
43	VG tipo durata d'utilizzo <sup>54</sup>	2.0	193	192-193	I	-	-	-
44	VG tipo persistenza <sup>54</sup>	2.0	195	194-195	I	-	-	-
45	valore genetico pastura (VGP)	3.0	198	196-198	I	Ö	-	-
46	indice totale economico con base 1000 (ISET,ITE)	4.0	202	199-202	I	Ö	Ö	Ö
47	label valore genetico latte, grasso, proteine <sup>84</sup>	3.0	205	203-205	T	Ö	Ö	Ö
48	label valore genetico numero cellule <sup>84</sup>	3.0	208	206-208	T	Ö	Ö	Ö
49	label valore genetico persistenza <sup>84</sup>	3.0	211	209-211	T	Ö	Ö	Ö
50	label valore genetico durata d'utilizzo <sup>84</sup>	3.0	214	212-214	T	Ö	Ö	Ö
51	VG efficienza risparmio foraggio B%	2.0	216	215-216	I	-	P	P
52	VG efficienza risparmio foraggio indice	3.0	219	217-219	I	-	P	P
53	Label VG efficienza risparmio foraggio <sup>84</sup>	3.0	222	220-222	T	-	P	P
54	VG resistenza alle mastiti B%	2.0	224	223-224	I	Ö	-	-
55	VG resistenza alle mastiti indice	3.0	227	225-227	I	Ö	-	-
56	label valore genetico resistenza alle mastiti <sup>84</sup>	3.0	230	228-230	T	Ö	-	-
totale 230								

il tipo di serie S10 contiene i risultati di prova in progenie per latte, n. cellule, durata d'utilizzo e indice totale economico dei tori

						0						
1	<b>tipo serie S11</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>				<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö	Ö				
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö	Ö				
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö	Ö				
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö	Ö				
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö	Ö				
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö	Ö				
8	data ultima valutazione RNR toro	8.0	59	52-59	I	-	-	-				
9	numero inseminazioni	5.0	64	60-64	I	-	-	-				
10	valore genetico RNR [%] toro	5.1	69	65-69	VR	-	-	-				
11	Ø RNR [%] toro	4.1	73	70-73	R	-	-	-				
12	numero figlie intervallo parto monta	5.0	78	74-78	I	-	-	-				
13	valore genetico intervallo parto monta [giorni]	5.1	83	79-83	VR	-	-	-				
14	Ø intervallo parto monta [giorni]	3.0	86	84-86	I	-	-	-				
15	valore genetico intervallo d'attesa indice	6.0	92	87-92	I	-	-	-				
16	B% valore genetico intervallo d'attesa	2.0	94	93-94	I	-	-	-				
17	numero figlie con prime inseminazioni	6.0	100	95-100	I	Ö	Ö	Ö				
18	VG RNR figlie indice	6.0	106	101-106	I	-	-	-				
19	data SVG	8.0	114	107-114	D	Ö	Ö	Ö				
20	base VG intervallo d'attesa e RNR figlie <sup>38</sup>	6.0	120	115-120	T	Ö	Ö	Ö				
21	tipo VG <sup>54</sup>	2.0	122	121-122	I	-	-	-				
22	VG fertilità	6.0	128	123-128		Ö	Ö	Ö				
23	B% fertilità	2.0	130	129-130		Ö	Ö	Ö				
24	label valore genetico fertilità <sup>84</sup>	3.0	133	131-133	T	Ö	Ö	Ö				
totale 133												

il tipo di serie S11 contiene i risultati di prova in progenie della fertilità dei tori

						0						
1	<b>tipo serie S12</b>	3.0	3	1-3	T	<b>B</b>	<b>F</b>	<b>H</b>				<b>KB</b>
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö	Ö				
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö	Ö				
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö	Ö				
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö	Ö				
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö	Ö				
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö	Ö				
8	data ultima valutazione <sup>42</sup>	8.0	59	52-59	I	Ö	Ö	Ö				
9	numero nascite	5.0	64	60-64	I	Ö	Ö	Ö				
10	valore genetico durata di gestazione indice	6.0	70	65-70	I	-	-	-				
11	Ø durata di gestazione	5.1	75	71-75	R	-	-	-				
12	valore genetico peso alla nascita [kg] indice	6.0	81	76-81	I	-	-	-				
13	Ø peso alla nascita [kg]	5.2	86	82-86	R	-	-	-				
14	valore genetico parti normali [%] indice	6.0	92	87-92	I	Ö	Ö	Ö				
15	Ø parti normali [%]	5.2	97	93-97	R	Ö	Ö	-				
16	valore genetico parti vivi [%] indice	6.0	103	98-103	I	Ö	Ö	Ö				
17	Ø parti vivi [%]	5.2	108	104-108	R	Ö	Ö	-				
18	valore genetico durata di gestazione figlie indice	3.0	111	109-111	I	-	-	-				
19	valore genetico peso alla nascita [kg] figlie indice	3.0	114	112-114	I	-	-	-				
20	valore genetico parti normali [%] figlie indice	3.0	117	115-117	I	Ö	Ö	Ö				
21	valore genetico parti vivi [%] figlie indice	3.0	120	118-120	I	Ö	Ö	Ö				
22	tipo VG <sup>54</sup>	2.0	122	121-122	I	-	-	-				
23	base VG <sup>38</sup>	6.0	128	123-128	T	Ö	Ö	Ö				
24	label valore genetico decorso del parto diretto <sup>84</sup>	3.0	131	129-131	T	Ö	Ö	Ö				
25	label VG decorso del parto figlie (materno) <sup>84</sup>	3.0	134	132-134	T	Ö	Ö	Ö				
totale 134												

il tipo di serie S12 contiene i risultati di prova in progenie del decorso del parto dei tori

0

1	tipo serie S17	3.0	3	1-3	T	B	F	H	KB
2	numero versione formato serie <sup>1</sup>	2.0	5	4-5	I	Ö	Ö		
3	identificazione azienda <sup>2</sup> ubicazione attuale	10.0	15	6-15	I	Ö	Ö		
4	identificazione azienda secondo BDTA	7.0	22	16-22	I	Ö	Ö		
5	identificazione animale <sup>10</sup>	14.0	36	23-36	T	Ö	Ö		
6	codice di razza animale <sup>55</sup>	3.0	39	37-39	T	Ö	Ö		
7	nome animale	12.0	51	40-51	T	Ö	Ö		
8	data ultima valutazione	8.0	59	52-59	I	Ö	Ö		
9	label valore genetico vitelli da banco <sup>84</sup>	2.0	61	60-61	T	Ö	Ö		
10	B% peso carcassa vitelli da banco	3.0	64	62-64	I	Ö	Ö		
11	indice peso carcassa vitelli da banco	4.0	68	65-68	I	Ö	Ö		
12	B% copertura di grasso vitelli da banco	3.0	71	69-71	I	Ö	Ö		
13	indice copertura di grasso vitelli da banco	4.0	75	72-75	I	Ö	Ö		
14	B% carnosità vitelli da banco	3.0	78	76-78	I	Ö	Ö		
15	indice carnosità vitelli da banco	4.0	82	79-82	I	Ö	Ö		
16	quantità vitelli da banco	5.0	87	83-87	I	Ö	Ö		
17	label valore genetico animali da banco <sup>84</sup>	2.0	89	88-89	T	Ö	Ö		
18	B% peso carcassa animali da banco	3.0	92	90-92	I	Ö	Ö		
19	indice peso carcassa animali da banco	4.0	96	93-96	I	Ö	Ö		
20	B% copertura di grasso animali da banco	3.0	99	97-99	I	Ö	Ö		
21	indice poertura di grasso animali da banco	4.0	103	100-103	I	Ö	Ö		
22	B% carnosità animali da banco	3.0	106	104-106	I	Ö	Ö		
23	indice carnosità animali da banco	4.0	110	107-110	I	Ö	Ö		
24	quantità animali da banco	5.0	115	111-115	I	Ö	Ö		
totale 115									

il tipo di serie S17 contiene i risultati di prova in progenie dei caratteri di macellazione

**I codici sono ora forniti nel file Code.C01**

riferimento	indicazione
1	numero versione formato serie: attuale " 3"
2	identificazione azienda formata da: razza (federazione LG/chiave IA) vedi tabella dei codici 3.0 cifre consorzio (CAB)/comune 4.0 cifre azienda 3.0 cifre
3	codice lingua:
4	cantoni (abbreviazione) IA: federazione IA
5	paese (abbreviazione targhe internazionali)
6	zona catasto secondo GEOSat
7	anno di controllo: per es. 9293 per l'anno di controllo 1992/93
8	età al parto in anni. mesi: per es. 3 anni 4 mesi = 3.04
9	tutti / solo manze / solo vacche:
10	<b>identif</b> codice del paese ISO 2 lettere registrazione BDTA: numero progressivo 11 cifre cifra di verifica 1 cifra <b>lunghezza totale 14</b> <b>identificazione animale ITB:</b> codice di razza 3 lettere codice del paese 3 lettere sesso 1 lettera numero progressivo 12 cifre <b>lunghezza totale 19</b> la definizione dell'ID Interbull, compresi codici di razza e dei paesi si trova al seguente link: <a href="http://www.interbull.org/service_documentation/Production/File_formato_010.pdf">http://www.interbull.org/service_documentation/Production/File_formato_010.pdf</a>
11	sezzo:
12	osservazione:
13	tipo di chiusura: si distingue tra lattazioni correnti e lattazioni concluse: <u>lattazioni concluse:</u> per una vacca sono possibili le seguenti combinazioni: solo 1, solo 2 (chiusura completa nel campo 270 fino a 305), 2 e 3 lattazione standard = 305, chiusura completa > 305) <u>lattazioni correnti:</u> per una vacca sono possibili le seguenti combinazioni: solo 8 (lunghezza lattazione < 100 o nel campo > 250 a 318), 5 e 8, 6 e 8, 7 e 8.
14	alpeggio:
15	codice di lattazione:
16	codice di razza:
17	codice d'inseminazione / monta:
18	gemelli / trigemino:
19	decorso del parto:
20	vitello deceduto entro 24 ore: 1 = morto
21	codice diagnosi: sarà ancora pubblicato
22	identificazione veterinario
27	indice N3: % degli animali con più di 2 inseminazioni
28	motivo dell'uscita:
29	regione:
30	nome integrato nel cognome
31	codice appellativo:
32	contrassegno:

33	cifre statistiche di riferimento			
	∅ valore medio			
	σ deviazione standard			
34	vedi allegato riferimento 2: senza numero CAB e azienda			
35	marcatori genetici: (compr. Tare ereditarie)			
36	F: al posto della media aziendale corretta si indica il gruppo aziendale (1-40).			
37	F: solo anno/stagione. Esempio: 19930530 = primavera 1993 19931130 = autunno 1993			
38	F: anno di base e razza di base, per es. 1985FT B: anno di base e razza di base, per es. JJJJOB o JJJJBV B fino a 2004: anno di base = anno di nascita degli animali di base B dal 2005: anno di base = anno dell'introduzione della base			
39	B: sono state considerate lattazioni nel campo 250-305 giorni			
40	B: sono state considerate tutte le vacche con una chiusura (parziale o completa) nell'anno di controllo. presso swissherdbook, le medie si riferiscono alla base FT.			
41	B: prima del 1. agosto 1994 è stata utilizzata un'altra scheda di descrizione la tabella seguente mostra come i "vecchi" dati sono stati integrati in K07.			
<b>posizione in K07</b>	<b>prima del 8.1994</b>		<b>8.1994-7.2008</b>	
lunghezza bacino	registrazione incompleta		completa	
mammella larghezza attacco posteriore	attacco mammella		mammella larghezza attacco posteriore	
mammella altezza attacco posteriore	manca		mammella altezza attacco posteriore	
mammella attacco anteriore	manda		mammella attacco anteriore	
profondità mammella	posizione mammella		profondità mammella	
angolo groppa	1: spiovente	9: ischi alti	9: spiovente	1: ischi alti
capezzoli espressione	1: fini	9: grossi	9: fini	1: grossi
capezzoli lunghezza	1: corti	9: lunghi	9: corti	1: lunghi
capezzoli distribuzione d	1: ravvicinati	9: distanziati	9: ravvicinati	1: distanziati
capezzoli distribuzione d	1: ravvicinati	9: distanziati	9: ravvicinati	1: distanziati
capezzoli posizione A/I	1: verso interno	9: verso esterno	9: verso interno	1: verso esterno
42	Braunvieh Schweiz + SFZV dalla data di valutazione 1995, i risultati di prova in progenie per il decorso del parto sono rappresentati in maniera differente. Si rinuncia ad una valutazione [23-26]. Al posto dei parti difficili si pubblicano i parti normali e al posto dei nati morti si pubblicano i nati vivi. Braunvieh Schweiz: da maggio 2006 nuovo metodo. I vecchi VG non sono più pubblicati!			
43	codice fornitore dati:			
44	numero inseminatore			
45	inseminatore del proprio effettivo			
46	CODICE TORO DI TESTAGGIO			
47	CODICE CAMBIAMENTO DI TORO			
48	CATEGORIA DI TORI			
49	CONTENITORE AZIENDALE			
50	PRENOTAZIONE			
51	CODICE SECIALE			
53	tipo Record DLC			
54	tipo valore genetico			
55	codice di razza			
56	certificato richiesto			
57	colore			



58	espressione del carattere, se distinto
59	sicurezza (inteso in prima linea per tare ereditarie)
60	seme sessato
61	tipo di ubicazione
62	metodo di mungitura
63	metodo di prova
64	ID inseminazione: la più piccola ID inseminazione dalla catena di inseminazioni
65	codice mutazione
66	tipo valore genetico
67	nato morto
68	momento della morte
69	tara ereditaria
70	affiliato a differenti organizzazioni d'allevamento
71	codice mutazione BDTA
72	trattamento del seme
73	motivo dell'uscita
74	malformazione
75	tipo di ubicazione
76	tipo di chip
77	stato tipizzazione
78	codice pesatura
79	codice laboratorio
80	iscrizione EAM
81	iscrizione DLC
82	tipo di uscita
83	attuale tipo d'utilizzo
84	label valore genetico (sostituisce il tipo di valore genetico nel nuovo concetto di pubblicazione)
85	provenienza dei dati / proprietario
86	provenienza marcatore
<b><u>indicazioni:</u></b>	i campi con fondo grigio sono vecchie parti della descrizione dell'interfaccia e sono abrogate. testi in rosso sono modifiche in vigore da questa versione.